

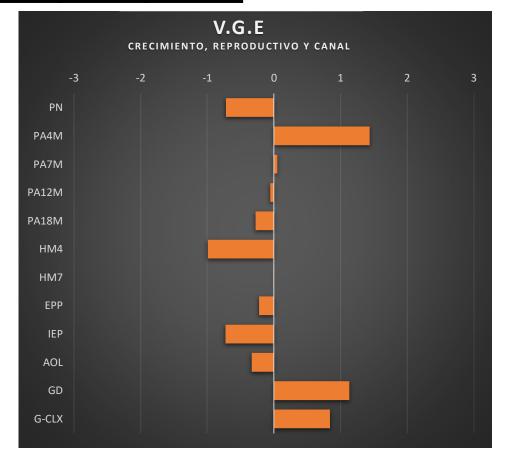
Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman

Plataforma Genómica Brahman



| NOMBRE | VELJICA CAPITANA | NUMERO | 60/9 |
|------------|------------------------|--------|-------|
| PADRE | VELJICA ALAMEDA MURDOC | NUMERO | 185/4 |
| MADRE | VELJICA 269 VIÑEDA | NUMERO | 10/5 |
| AB MATERNO | HCO 188CS MR MAGNUS | NUMERO | 269/1 |

| VALOR GENOMICO | | | |
|----------------|------------------|---------|-------|
| NOMBRE: | VELJICA CAPITANA | | |
| REGISTRO | NUMERO | 60/9 | |
| HBR788442 | G-DEP | EXA (%) | V.G.E |
| PN | -1,4 | 70 | -0,72 |
| PA4M | 14,0 | 63 | 1,44 |
| PA7M | 3,3 | 25 | 0,05 |
| PA12M | 1,4 | 57 | -0,06 |
| PA18M | -0,4 | 12 | -0,28 |
| НМ4 | -5,4 | 35 | -0,99 |
| НМ7 | -0,9 | 13 | -0,01 |
| EPP | -5,7 | 14 | -0,22 |
| IEP | -19,4 | 9 | -0,73 |
| AOL | -0,2 | 11 | -0,33 |
| GD | 0,1 | 9 | 1,13 |
| G-CLX | 0,4 | 15 | 0,84 |
| lGgBr | 71,3 | 16,0 | |



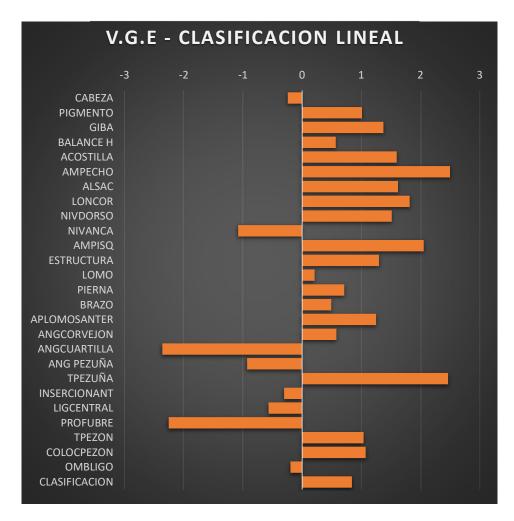


Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman

Plataforma Genómica Brahman



| CARACTERISTICA | G-DEP | EXA | V.G.E |
|----------------|--------|-----|-------|
| CABEZA | -0,042 | 13 | -0,24 |
| PIGMENTO | 0,210 | 15 | 1,01 |
| GIBA | 0,229 | 11 | 1,38 |
| BALANCE H | 0,059 | 10 | 0,57 |
| ACOSTILLA | 0,273 | 13 | 1,60 |
| AMPECHO | 0,302 | 12 | 2,50 |
| ALSAC | 0,242 | 15 | 1,62 |
| LONCOR | 0,260 | 14 | 1,82 |
| NIVDORSO | 0,275 | 12 | 1,52 |
| NIVANCA | -0,064 | 8 | -1,08 |
| AMPISQ | 0,235 | 12 | 2,06 |
| ESTRUCTURA | 0,225 | 15 | 1,30 |
| LOMO | 0,033 | 15 | 0,21 |
| PIERNA | 0,109 | 12 | 0,71 |
| BRAZO | 0,063 | 11 | 0,49 |
| APLOMOSANTER | 0,128 | 11 | 1,25 |
| ANGCORVEJON | 0,024 | 7 | 0,58 |
| ANGCUARTILLA | -0,169 | 9 | -2,36 |
| ANG PEZUÑA | -0,033 | 6 | -0,93 |
| TPEZUÑA | 0,171 | 9 | 2,47 |
| INSERCIONANT | -0,027 | 9 | -0,30 |
| LIGCENTRAL | -0,034 | 9 | -0,57 |
| PROFUBRE | -0,248 | 13 | -2,25 |
| TPEZON | 0,149 | 15 | 1,04 |
| COLOCPEZON | 0,061 | 8 | 1,07 |
| OMBLIGO | -0,118 | 20 | -0,19 |
| CLASIFICACION | 0,446 | 15 | 0,84 |





Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman Plataforma Genómica Brahman



INFORMACIÓN DE GENOTIPOS PARA GENES DE INTERÉS

Se determinaron las variantes alélicas favorables en genes de importancia económica que porta el individuo y que podría transmitir a su descendencia.

| Genes Asociados a Carcateristicas de Calidad de la Carne | | | | |
|--|-----------|---|--|--|
| Nombre | Genotipos | Descripcion | | |
| Calpaína_316 | 0 | | | |
| Calpaína_4751 | 0 | La calpaína es responsable de la proteólisis postmortem en la carne e incrementa su terneza | | |
| Calpaína_530 | 2 | | | |
| Calpastatina | 2 | La Calpastatina, es un Inhibidor de la función de la calpaína, por tanto la variante favorable disminuye su acción sobre las calpaínas y favorece el incremento de la terneza de la carne | | |
| Leptina | 1 | | | |
| Leptina_1457 | 1 | La Leptina es un gen interviene en la regulación del apetito y la deposición de grasa. Los alelos | | |
| Leptina_963 | 0 | favorables permiten al individuo alcanzar el peso al sacrificio más rápido, desarrollar mayor marmóreo | | |
| Leptina_945 | 2 | y en hembras puede incrementar la producción de leche | | |
| Leptina_59 | 2 | | | |
| | | Genes asociados a características de la leche | | |
| Beta Lactoglobulina | 2 | La variante B tiene una menor concentración de β-LG y por ende un mayor contenido de caseínas, en comparación con la variante A que se asocia con una mayor producción de leche y un mayor contenido de proteínas de suero. | | |
| Beta caseína | 0 | Las variantes de la β-caseina (en particular A1, A2 y B) tienen influencia en las propiedades tecnológicas de la leche y en la salud humana. La variante B está relacionada con un mayor contenido de caseína, mejores propiedades de coagulación y mayor rendimiento de queso. Este análisis no discrimina entre A1 y A2 | | |
| Kappa Caseína | 0 | El alelo B se asocia con mayores porcentajes de proteína y grasa, con un aumento de los niveles de caseína, menor tiempo de coagulación y mayor resistencia del coágulo, lo que mejora la calidad de la leche en la producción de queso | | |



Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman Plataforma Genómica Brahman



| Genes relacionados con adaptación | | | |
|-----------------------------------|---|---|--|
| Slick_Gene_SNP1 | 0 | Gen que confiere ventajas de adaptación en climas tropicales. Resultados obtenidos a partir del análisis de las frecuencias | |
| Slick_Gene_SNP2 | 0 | alélicas entre las razas Romosinuano (pelo corto) y Holstein (pelo largo) | |
| | | | |

Nota: El individuo posee Cero (0); Una (1); o Dos copias (2), del alelo favorable respectivamente. NA alelo no determinado.

| Genes relacionados con enfermedades | | | |
|--|---|---|--|
| Pompe's 1057 | 0 | Es una enfermedad de origen genético caracterizada por la debilidad | |
| Pompe's 1783 | 0 | muscular progresiva y la falta de coordinación en la marcha de los animales afectados. | |
| Aracnomelia | 0 | Natimortos, anomalías esqueléticas (miembros de araña) adelgazamiento de la diáfisis, cráneo anormal | |
| Manosidosis | 0 | Deficiencia de la actividad beta-manosidasa en el tejido cerebral y los linfocitos, riñones de color verde pálido. | |
| Deficiencia de adhesión leucocitaria bovina | 0 | Defectos en respuesta inmune | |
| Citrulinemia | 0 | Muerte de los terneros con sintomatología clínica de intoxicación por exceso de amonio y depresión del sistema nervioso | |
| Cardiomiopatía dilatada | 0 | Desorden del músculo cardiaco | |
| 1 - 1 - 0 - 1 11 (2) | | | |

Nota2: <u>Libre (0):</u> el individuo no posee variantes alélicas relacionadas con la condición; <u>Portador (1):</u> El individuo porta un alelo asociado con la condición; <u>Afectado (2):</u> el individuo transmite alelos asociados a la condición; <u>NA:</u> alelo no determinado.