

Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman

Plataforma Genómica Brahman



| NOMBRE | TASMANIA COMETA T.E. | NUMERO | 095/7 |
|------------|-------------------------------|--------|--------|
| PADRE | JDH MR ELMO MANSO | NUMERO | 309/4 |
| MADRE | E.O.Z MISS BROOKS 576/41 T.E. | NUMERO | 576/41 |
| AB MATERNO | JDH MR BROOKS MANSO | NUMERO | 163/1 |

| VALOR GENOMICO | | | | |
|------------------------------|---------------------|----------------------|-------|--|
| NOMBRE: TASMANIA COMETA T.E. | | | | |
| REGISTRO | NUMERO 095/7 | | 7 | |
| HBR1168407 | G-DEP | EXA (%) V.G.E | | |
| PN | 1.8 | 53 | 1.53 | |
| PA4M | 14.2 | 47 | 3.23 | |
| PA7M | 5.6 | 41 | 1.04 | |
| PA12M | 7.4 | 42 | 1.68 | |
| PA18M | 9.2 | 41 | 1.80 | |
| HM4 | -10.3 | 43 | -4.43 | |
| НМ7 | -3.7 | 33 | -1.97 | |
| EPP | 1.4 | 34 | 1.38 | |
| IEP | 0.3 | 33 | 3.82 | |
| AOL | -0.2 | 35 | -2.10 | |
| GD | 4.0 | 22 | 0.79 | |
| G-CLX | 0.2 | 40 | 0.88 | |
| IGTgBr | | | | |



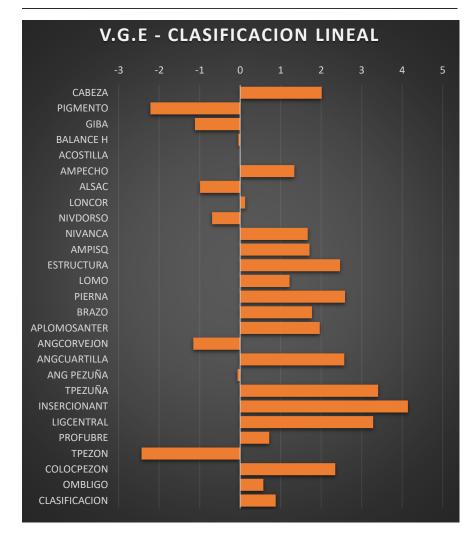


Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman

Plataforma Genómica Brahman



| OADAGTEDIOTICA I | C DED | I EVA | IV o E |
|------------------|--------|-------|--------|
| CARACTERISTICA | G-DEP | EXA | V.G.E |
| CABEZA | 0.227 | 38 | 2.02 |
| PIGMENTO | -0.211 | 41 | -2.22 |
| GIBA | -0.091 | 35 | -1.12 |
| BALANCE H | -0.002 | 34 | -0.05 |
| ACOSTILLA | -0.010 | 38 | 0.00 |
| AMPECHO | 0.078 | 37 | 1.34 |
| ALSAC | -0.080 | 40 | -0.99 |
| LONCOR | 0.006 | 40 | 0.12 |
| NIVDORSO | -0.067 | 37 | -0.69 |
| NIVANCA | 0.053 | 30 | 1.67 |
| AMPISQ | 0.094 | 36 | 1.71 |
| ESTRUCTURA | 0.209 | 40 | 2.47 |
| LOMO | 0.121 | 40 | 1.22 |
| PIERNA | 0.220 | 36 | 2.59 |
| BRAZO | 0.137 | 35 | 1.77 |
| APLOMOSANTER | 0.101 | 34 | 1.97 |
| ANGCORVEJON | -0.029 | 27 | -1.16 |
| ANGCUARTILLA | 0.113 | 30 | 2.57 |
| ANG PEZUÑA | 0.000 | 25 | -0.07 |
| TPEZUÑA | 0.117 | 32 | 3.41 |
| INSERCIONANT | 0.260 | 30 | 4.14 |
| LIGCENTRAL | 0.185 | 31 | 3.28 |
| PROFUBRE | 0.062 | 37 | 0.72 |
| TPEZON | -0.264 | 41 | -2.43 |
| COLOCPEZON | 0.069 | 29 | 2.35 |
| OMBLIGO | 0.076 | 46 | 0.57 |
| CLASIFICACION | 0.233 | 40 | 0.88 |





Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman Plataforma Genómica Brahman



INFORMACIÓN DE GENOTIPOS PARA GENES DE INTERÉS
Se determinaron las variantes alélicas favorables en genes de importancia económica que porta el individuo y que podría transmitir a su descendencia.

| SNPs localizados en genes asociados a carcateristicas de calidad de la carne | | | |
|--|---------------------|---------------------------|--|
| NOMBRE DEL GEN | NOMBRE DEL SNP | GENOTIPO | DESCRIPCIÓN |
| CALPAÍNA | Calpaína_316 | 0 | La calpaína es responsable de la proteólisis postmortem en la carne e incrementa su |
| | Calpaína_4751 | 0 | terneza. |
| | Calpaína_530 | 2 | lemeza. |
| CALPASTATINA | WSUCAST | 0 | La Calpastatina, es un Inhibidor de la función de la calpaína, por tanto la variante favorable disminuye su acción sobre las calpaínas y favorece el incremento de la terneza de la carne. |
| | EXON2FB | 0 | |
| | Leptina_1457 | 0 | La Leptina es un gen interviene en la regulación del apetito y la deposición de grasa. Los |
| LEPTINA | Leptina_963 | 0 | alelos favorables permiten al individuo alcanzar el peso al sacrificio más rápido, |
| | Leptina_945 | 1 | desarrollar mayor marmóreo y en hembras puede incrementar la producción de leche. |
| | Leptina 59 | 2 | |
| | 9 | SNPs localizados en genes | asociados a características de la leche |
| BETA LACTOGLOBULINA | Beta Lactoglobulina | 1 | La variante B tiene una menor concentración de β-LG y por ende un mayor contenido de caseínas, en comparación con la variante A que se asocia con una mayor producción de leche y un mayor contenido de proteínas de suero. |
| BETA CASEINA | BCNAB | 0 | Las variantes de la β-caseína (en particular A1, A2 y B) tienen influencia en las propiedades tecnológicas de la leche y en la salud humana. La variante B está relacionada con un mayor contenido de caseína, mejores propiedades de coagulación y mayor rendimiento de queso. Este análisis no discrimina entre A1 y A2. |
| KAPPA CASEÍNA | GNSC319 | 0 | El alelo B se asocia con mayores porcentajes de proteína y grasa, con un aumento de los |
| | GNSC355 | 0 | niveles de caseína, menor tiempo de coagulación y mayor resistencia del coágulo, lo que mejora la calidad de la leche en la producción de queso. |

| SNPs localizados en genes asociados a características de adaptabilidad | | | |
|--|-----------------|---|--|
| RECEPTOR DE LA PROLACTINA | Slick_Gene_SNP1 | 0 | Gen que confiere ventajas de adaptación en climas tropicales. Resultados obtenido |
| | Slick_Gene_SNP2 | 1 | partir del análisis de las frecuencias alélicas entre las razas Romosinuano (pelo corto) y Holstein (pelo largo). |
| N | | | |

Nota: El individuo posee Cero (0); Una (1); o Dos copias (2), del alelo favorable respectivamente. NA alelo no determinado.

| Genes relacionados con enfermedades | | | | |
|--------------------------------------|-------------|----------|---|--|
| ENFERMEDAD ASOCIADA | | GENOTIPO | DESCRIPCIÓN | |
| ARACNOMELIA | | 0 | Natimortos, anomalías esqueléticas (miembros de araña) adelgazamiento de la diáfisis, cráneo anormal | |
| MANOSIDOSIS | | 0 | Deficiencia de la actividad beta-manosidasa en el tejido cerebral y los linfocitos, riñone de color verde pálido. | |
| DEFICIENCIA DE ADHESIÓN LEUCOCITARIA | | 0 | Defectos en respuesta inmune | |
| CITRULLINEMIA | | 0 | Muerte de los terneros con sintomatología clínica de intoxicación por exceso de amonio y depresión del sistema nervioso | |
| CARDIOMIOPATÍA DILATADA | | 0 | Desorden del músculo cardiaco | |
| POMPES | Pompes_1057 | 0 | Trastorno genético hereditario letal que se ha diagnosticado en ganado Brahman. Animales afectados carecen de actividad de la enzima esencial a-glucosidasa ácida | |
| | Pompes_1783 | 0 | (AAG). Como resultado de esta deficiencia, el glucógeno se acumula dentro de las células musculares y nerviosas, afectando la función normal de los tejidos. | |

Nota2: Libre (0): el individuo no posee variantes alélicas relacionadas con la condición; Portador (1): El individuo porta un alelo asociado con la condición; Afectado (2): el individuo transmite alelos asociados a la condición; NA: alelo no determinado.