

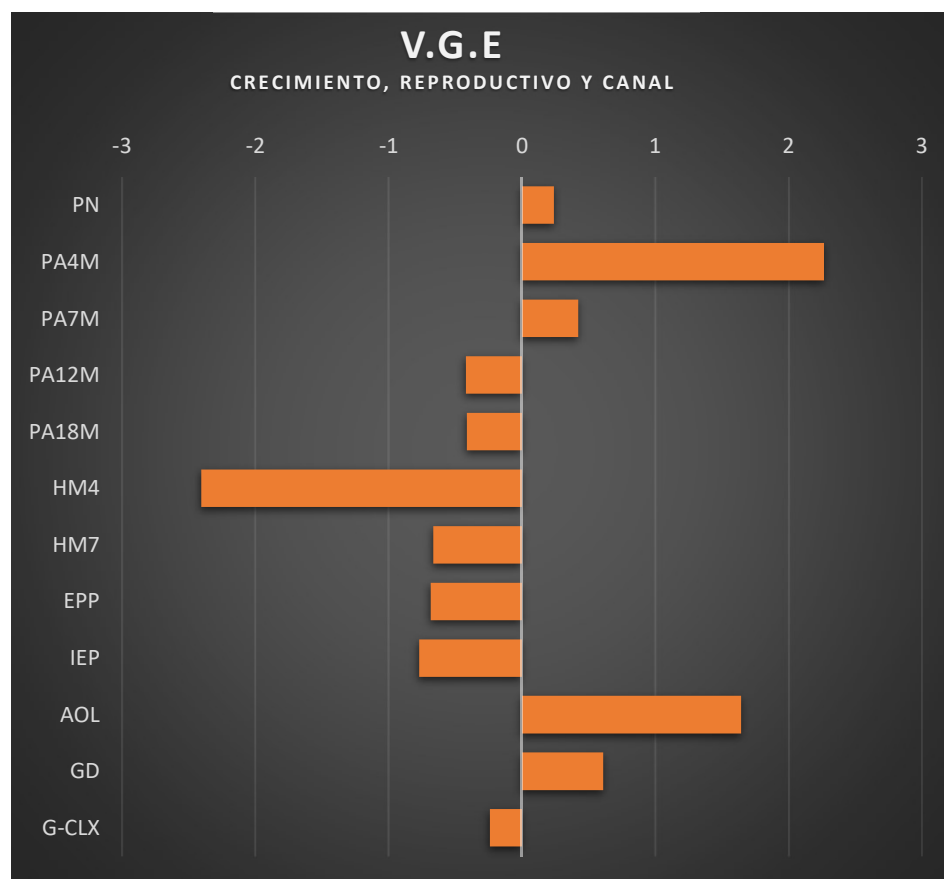


Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman  
**Plataforma Genómica Brahman**



| NOMBRE     | VELJICA DULSURA          | NUMERO | 07/0     |
|------------|--------------------------|--------|----------|
| PADRE      | PENAS BLANCAS CATALOGADO | NUMERO | C1/171/2 |
| MADRE      | VELJICA PISTON GASOLINA  | NUMERO | 35/1     |
| AB MATERNO | BAI DUSON'S PISTON 254   | NUMERO | 254/1    |

| VALOR GENOMICO |                 |         |       |
|----------------|-----------------|---------|-------|
| NOMBRE:        | VELJICA DULSURA |         |       |
| REGISTRO       | NUMERO          | 07/0    |       |
| HBR816852      | G-DEP           | EXA (%) | V.G.E |
| PN             | 0,7             | 73      | 0,24  |
| PA4M           | 20,7            | 65      | 2,27  |
| PA7M           | 6,2             | 30      | 0,42  |
| PA12M          | -1,4            | 40      | -0,42 |
| PA18M          | -1,6            | 29      | -0,41 |
| HM4            | -11,6           | 45      | -2,41 |
| HM7            | -3,1            | 23      | -0,67 |
| EPP            | -7,4            | 24      | -0,68 |
| IEP            | -20,2           | 16      | -0,77 |
| AOL            | 2,3             | 24      | 1,65  |
| GD             | 0,0             | 21      | 0,61  |
| G-CLX          | -0,1            | 30      | -0,24 |
| IGgBr          | 78,0            | 24,1    |       |

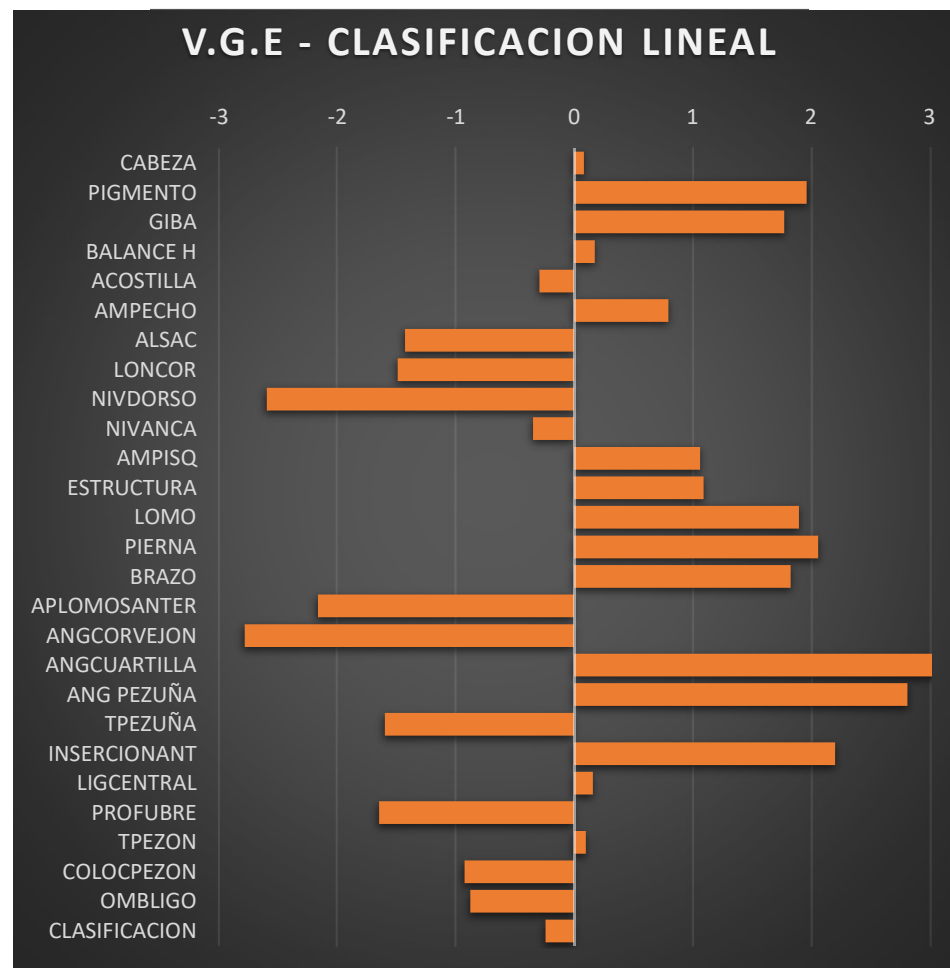




*Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman*  
**Plataforma Genómica Brahman**



| CARACTERISTICA | G-DEP  | EXA | V.G.E |
|----------------|--------|-----|-------|
| CABEZA         | 0,026  | 29  | 0,08  |
| PIGMENTO       | 0,398  | 31  | 1,96  |
| GIBA           | 0,294  | 26  | 1,78  |
| BALANCE H      | 0,021  | 25  | 0,18  |
| ACOSTILLA      | -0,073 | 28  | -0,29 |
| AMPECHO        | 0,086  | 27  | 0,80  |
| ALSAC          | -0,223 | 30  | -1,43 |
| LONCOR         | -0,225 | 30  | -1,49 |
| NIVDORSO       | -0,489 | 28  | -2,60 |
| NIVANCA        | -0,018 | 22  | -0,35 |
| AMPISQ         | 0,120  | 27  | 1,06  |
| ESTRUCTURA     | 0,192  | 30  | 1,10  |
| LOMO           | 0,353  | 30  | 1,90  |
| PIERNA         | 0,303  | 26  | 2,06  |
| BRAZO          | 0,246  | 26  | 1,83  |
| APLOMOSANTER   | -0,229 | 25  | -2,16 |
| ANGCORVEJON    | -0,137 | 19  | -2,78 |
| ANGCUARTILLA   | 0,260  | 22  | 3,46  |
| ANG PEZUÑA     | 0,117  | 17  | 2,82  |
| TPEZUÑA        | -0,118 | 23  | -1,60 |
| INSERCIONANT   | 0,256  | 22  | 2,21  |
| LIGCENTRAL     | 0,035  | 23  | 0,16  |
| PROFUBRE       | -0,173 | 28  | -1,65 |
| TPEZON         | -0,037 | 31  | 0,10  |
| COLOCPEZON     | -0,053 | 20  | -0,92 |
| OMBLIGO        | -0,362 | 36  | -0,88 |
| CLASIFICACION  | -0,128 | 30  | -0,24 |





*Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman*  
**Plataforma Genómica Brahman**



**INFORMACIÓN DE GENOTIPOS PARA GENES DE INTERÉS**

Se determinaron las variantes alélicas favorables en genes de importancia económica que porta el individuo y que podría transmitir a su descendencia.

| Genes Asociados a Carcateristicas de Calidad de la Carne |           |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
|----------------------------------------------------------|-----------|---------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Nombre                                                   | Genotipos | Descripcion                                                                                                                                                                                                                                                                                                               |
| Calpainá_316                                             | 0         | La calpainá es responsable de la proteólisis postmortem en la carne e incrementa su terneza                                                                                                                                                                                                                               |
| Calpainá_4751                                            | 0         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Calpainá_530                                             | 2         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Calpastatina                                             | 1         | La Calpastatina, es un Inhibidor de la función de la calpainá, por tanto la variante favorable disminuye su acción sobre las calpainás y favorece el incremento de la terneza de la carne                                                                                                                                 |
| Leptina                                                  | 0         | La Leptina es un gen interviene en la regulación del apetito y la deposición de grasa. Los alelos favorables permiten al individuo alcanzar el peso al sacrificio más rápido, desarrollar mayor marmóreo y en hembras puede incrementar la producción de leche                                                            |
| Leptina_1457                                             | 0         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Leptina_963                                              | 0         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Leptina_945                                              | 2         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Leptina_59                                               | 2         |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Genes asociados a características de la leche            |           |                                                                                                                                                                                                                                                                                                                           |
| Beta Lactoglobulina                                      | 0         | La variante B tiene una menor concentración de β-LG y por ende un mayor contenido de caseínas, en comparación con la variante A que se asocia con una mayor producción de leche y un mayor contenido de proteínas de suero.                                                                                               |
| Beta caseína                                             | 0         | Las variantes de la β-caseína (en particular A1, A2 y B) tienen influencia en las propiedades tecnológicas de la leche y en la salud humana. La variante B está relacionada con un mayor contenido de caseína, mejores propiedades de coagulación y mayor rendimiento de queso. Este análisis no discrimina entre A1 y A2 |
| Kappa Caseína                                            | 0         | El alelo B se asocia con mayores porcentajes de proteína y grasa, con un aumento de los niveles de caseína, menor tiempo de coagulación y mayor resistencia del coágulo, lo que mejora la calidad de la leche en la producción de queso                                                                                   |



Reporte de evaluación genómica para la raza Brahman  
**Plataforma Genómica Brahman**



**Genes relacionados con adaptación**

|                 |   |                                                                                                                                                                                                       |
|-----------------|---|-------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Slick_Gene_SNP1 | 0 | Gen que confiere ventajas de adaptación en climas tropicales. Resultados obtenidos a partir del análisis de las frecuencias alélicas entre las razas Romosinuano (pelo corto) y Holstein (pelo largo) |
| Slick_Gene_SNP2 | 0 |                                                                                                                                                                                                       |

**Nota:** El individuo posee **Cero (0)** ; **Una (1)** ; o **Dos copias (2)** , del alelo favorable respectivamente. **NA** alelo no determinado.

**Genes relacionados con enfermedades**

|                                             |   |                                                                                                                                                            |
|---------------------------------------------|---|------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------------|
| Pompe's 1057                                | 0 | Es una enfermedad de origen genético caracterizada por la debilidad muscular progresiva y la falta de coordinación en la marcha de los animales afectados. |
| Pompe's 1783                                | 0 |                                                                                                                                                            |
| Aracnomelia                                 | 0 | Natimortos, anomalías esqueléticas (miembros de araña) adelgazamiento de la diáfisis, cráneo anormal                                                       |
| Manosidosis                                 | 0 | Deficiencia de la actividad beta-manosidasa en el tejido cerebral y los linfocitos, riñones de color verde pálido.                                         |
| Deficiencia de adhesión leucocitaria bovina | 0 | Defectos en respuesta inmune                                                                                                                               |
| Citrulinemia                                | 0 | Muerte de los terneros con sintomatología clínica de intoxicación por exceso de amonio y depresión del sistema nervioso                                    |
| Cardiomiopatía dilatada                     | 0 | Desorden del músculo cardíaco                                                                                                                              |

**Nota2:** **Libre (0):** el individuo no posee variantes alélicas relacionadas con la condición; **Portador (1):** El individuo porta un alelo asociado con la condición; **Afectado (2):** el individuo transmite alelos asociados a la condición; **NA:** alelo no determinado.